



## PRESS RELEASE

2023年5月19日

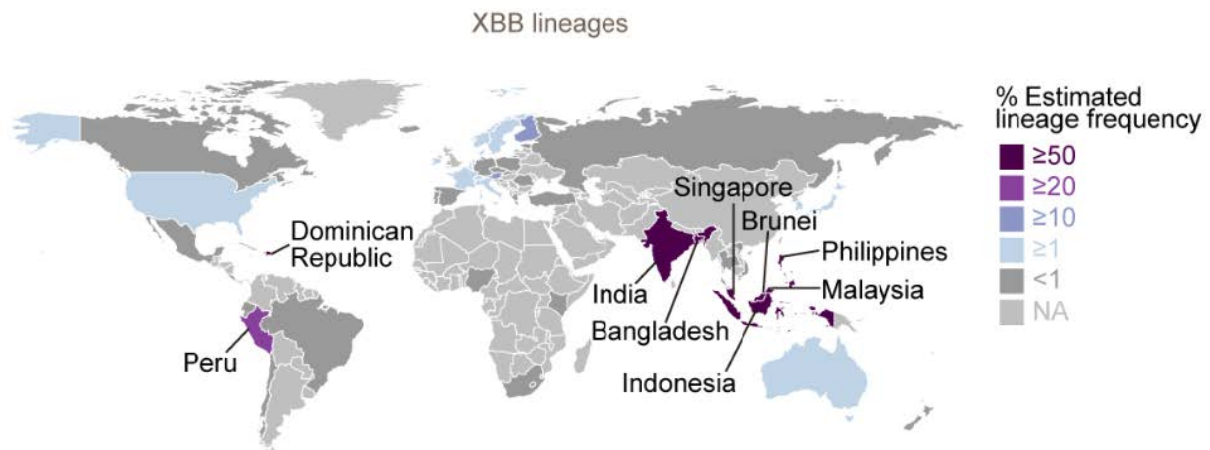
東京大学  
北海道大学  
京都大学  
熊本大学  
宮崎大学  
HiLung 株式会社

# オミクロン XBB 株の進化経路とウイルス学的特性の解明

——遺伝子組換えによる更なる免疫逃避能力の獲得——

## 発表のポイント

- ◆ XBB 株は、2 種類のおミクロン株（オミクロン BJ.1 株と BM.1.1.1 株）がスパイクタンパク質の受容体結合部位（RBD）で遺伝子組換えすることによって高い実効再生産数（流行拡大能力）を獲得したことを明らかにした。
- ◆ オミクロン XBB 株は、高い液性免疫からの逃避能、細胞への侵入効率、そして合胞体形成活性を遺伝子組換えにより獲得したことがわかった。
- ◆ ハムスターモデルにおけるオミクロン XBB 株の病原性は、オミクロン BA.2.75 株と比較してやや弱かった。



オミクロン XBB 株は、スパイクタンパク質の RBD 領域における組換えにより生じた。

## 発表概要

東京大学医科学研究所システムウイルス学分野の佐藤佳教授が主宰する研究コンソーシアム「The Genotype to Phenotype Japan (G2P-Japan)」(注1)は、2022年の9月頃からインドを中心に流行を拡大したオミクロン株(B.1.1.529, BA系統;注2)XBB株の進化の軌跡とウイルス学的特性を明らかにしました。進化系統解析により、オミクロンXBB株は、2種類のオミクロン株(オミクロンBJ.1株とBM.1.1.1株[BA.2.75株の子孫株])がスパイクタンパク質(注3)の受容体結合部位(RBD;注4)において遺伝子組換え(注5)を起こしたことで生じた変異株であること、そしてオミクロンXBB株は2022年の夏頃に出現したことを示しました。

さらに本研究では、オミクロンXBB株についての詳細なウイルス学的実験を行いました。その結果、オミクロンXBB株は、祖先株であるBA.2.75株、および、BA.2.75株の祖先株であるBA.2株よりも高い液性免疫(注6)に対する逃避能、感染受容体であるACE2(注7)結合能、そして感染性を遺伝子組換えにより獲得したことが明らかとなりました。一方で、オミクロンXBB株の実験動物モデルにおける病原性はオミクロンBA.2.75株に比べ、やや弱いことが明らかとなりました。本研究成果は2023年5月16日、英国科学雑誌「*Nature Communications*」オンライン版に掲載されました。

## 発表内容

ウイルス感染症の制御が難しい一因は、ウイルスが変異を獲得し進化することにあります。例えば、新型コロナウイルス(SARS-CoV-2)は流行の過程で著しく多様化し、「変異株」と呼ばれる様々な特性を持ったウイルスが出現してきました。現在でも、ワクチン接種や自然感染により獲得された液性免疫に対する高い逃避能を持った変異株が次々と出現してきており、医学・公衆衛生上の問題となっています。SARS-CoV-2の研究を通し、ウイルスの進化と流行の原理を理解することができれば、新型コロナウイルス感染症(COVID-19)だけでなく、将来のパンデミックを含めた様々な感染症の制御に繋がる知見を得ることができると期待されます。

2021年末に出現したオミクロン株(B.1.1.529, BA系統)は、流行の過程で著しく多様化し、様々なオミクロン亜株(オミクロンBA.2株、BA.5株、BA.2.75株、BQ.1.1株、XBB株など)が出現してきました。特に、2022年の9月頃からインドを中心に急速に流行を拡大したオミクロンXBB株は、遺伝子組換えにより生じた珍しいタイプの変異株です。本研究では、オミクロンXBB株の出現に至った進化的経路と、オミクロンXBB株のウイルス学的特性を明らかにするため、詳細な解析を行いました。

進化系統解析の結果、オミクロンXBB株は、2種類のオミクロン株(オミクロンBJ.1株とBM.1.1.1株[BA.2.75株の子孫株])がスパイクタンパク質のRBDにおいて遺伝子組換えを起こしたことで生じた変異株であることが明らかとなりました(図1)。

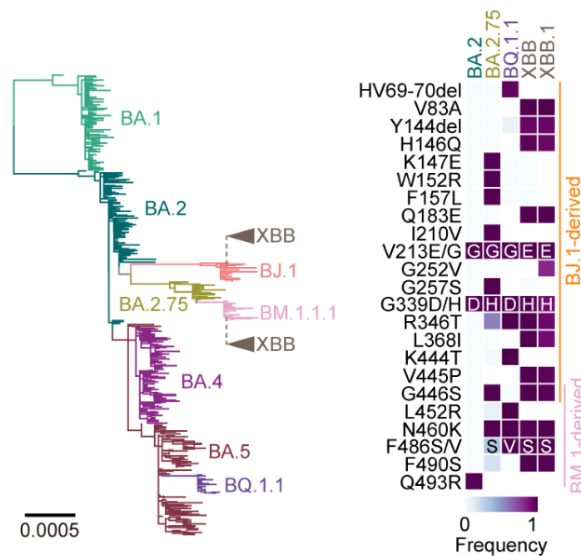


図1 2つのオミクロン亜株から XBB の出現

オミクロン亜株の系統樹を表す。オミクロン BA.1 株が出現した後、様々なオミクロン亜株が継続的に出現し、流行を引き起こしてきた。オミクロン BA.2 株から BJ.1 株と BM.1.1.1 株が出現し、それらの遺伝子組み換え体として XBB 亜系統が出現した。

また、オミクロン XBB 株の出現時期を推定したところ、2022 年の 6 月中旬から 7 月上旬であると推定されました。また、流行動態解析から、オミクロン XBB 株の実効再生産数（注 8）は、祖先株であるオミクロン BJ.1 株と BM.1.1.1 株よりも高いことがわかりました（図 2）。この結果は、オミクロン XBB 株の出現に際して起こった遺伝子組換えにより、ウイルスの実効再生産数が上昇したことを示唆しています。なお、SARS-CoV-2 の進化史において、遺伝子組換えによる実効再生産数の明確な上昇が観察されたのは、オミクロン XBB 株の例が初めてです。

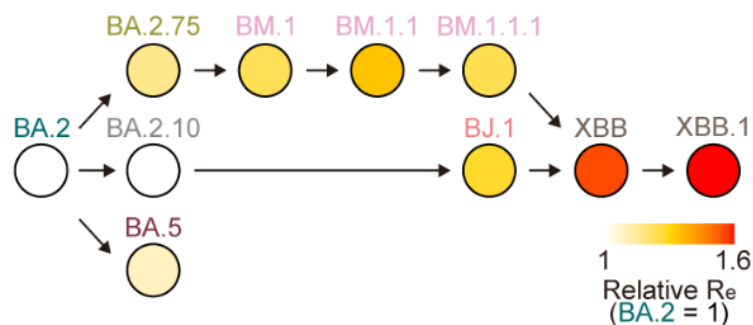


図2 遺伝子組換え体 XBB のウイルス適応度

BA.2 株を共通の祖先を持つ BM.1.1 と BJ.1 が XBB に遺伝子組換えによって出現した際に、適応度が増大したことを示す。

さらに、詳細な流行動態解析の結果、2022 年 11 月時点において、COVID-19 流行の主流株がヨーロッパ・アメリカ・アフリカ地域と南・東南アジアおよびオセアニア地域の間で異なることが明らかになりました。すなわち、前者の国ではオミクロン BA.5 株の子孫株であるオミクロン BQ.1.1 株が、後者の国ではオミクロン XBB 株が主流に流行していることがわかりました（図

3 a)。また、オミクロン XBB 株の実効再生産数は、オミクロン BQ. 1. 1 株の実効再生産数と同等に高いことが明らかになりました (図 3 b)。



図 3 オミクロン XBB 株とオミクロン BQ. 1. 1 株の流行

a) 2022 年 11 月 15 日時点におけるオミクロン XBB 株とオミクロン BQ. 1. 1 株の流行頻度。

b) オミクロン XBB 株とオミクロン BQ. 1. 1 株の実効再生産数 ( $R_e$ ) の比較。オミクロン BA. 5 株の実効再生産数を 1 としたときの値を示している。

本研究ではさらに、オミクロン XBB 株についての詳細なウイルス性状解析実験を行いました。シュードウイルス (注 9) を用いた中和試験 (注 10) の結果、XBB 株は液性免疫からの逃避能を著しく上昇させた変異株であることが明らかになりました (図 4 a、4 b)。この免疫逃避能の上昇は、スパイクタンパク質に存在する複数のアミノ酸置換の複合的な効果により得られたものであることがわかりました (図 4 a、4 b)。これらアミノ酸置換は、祖先株である BA. 2. 75 株、および BA. 2. 75 株の祖先株である BA. 2 株よりも ACE2 結合能と侵入効率が向上し、高い合胞体形成活性 (注 11) を有することがわかりました (図 4 c)。生体での呼吸器系の環境を模倣するマイクロ流体デバイスを駆使した実験の結果、オミクロン XBB 株は、オミクロン BA. 2. 75 株よりも高い呼吸器上皮—血管内皮バリアの破壊能を持つことがわかりました (図 4 d)。さらに、ウイルス感染受容体である ACE2 とのクライオ電子顕微鏡構造解析を行い、オミクロン XBB 株のスパイクタンパク質が ACE2 に対し高い親和性を持つことの構造学的な基盤を同定しました。

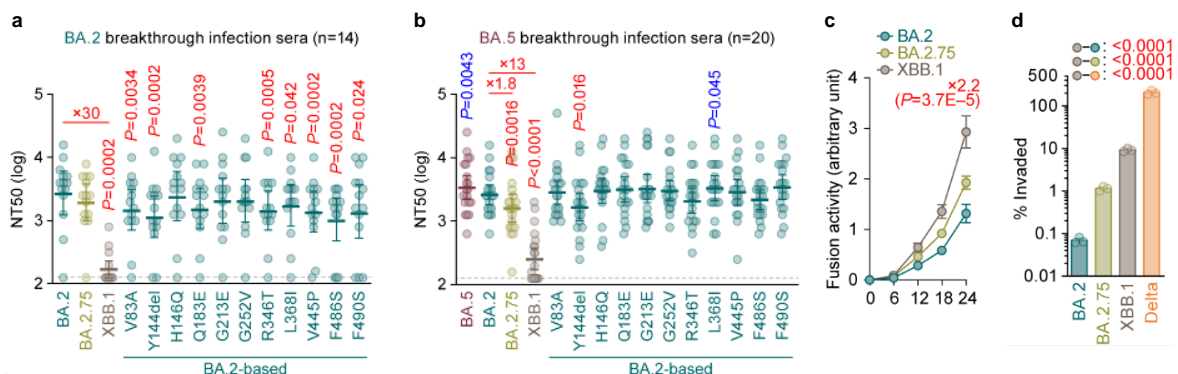


図 4 オミクロン XBB. 1 株のウイルス学的特性

オミクロン BA. 2 株 (a) と BA. 5 株 (b) のブレークスルー感染者血清を用いたウイルス中和試験。中和力価の低いほどウイルスの中和抗体に対する逃避能が高いことを意味する。

c) シュードウイルスを用いた合胞体形成活性の評価。

d) マイクロ流体デバイスを用いたウイルスの呼吸器—血管内皮バリア破壊能の評価。

最後に、ハムスターモデルを用いた感染実験により、オミクロン XBB 株の個体内感染動態と病原性を評価しました。その結果、オミクロン XBB 株のハムスターの肺における増殖力は、祖先型であるオミクロン BA.2.75 株よりもやや低下しており、また病原性もやや低いことが明らかとなりました（図 5）。

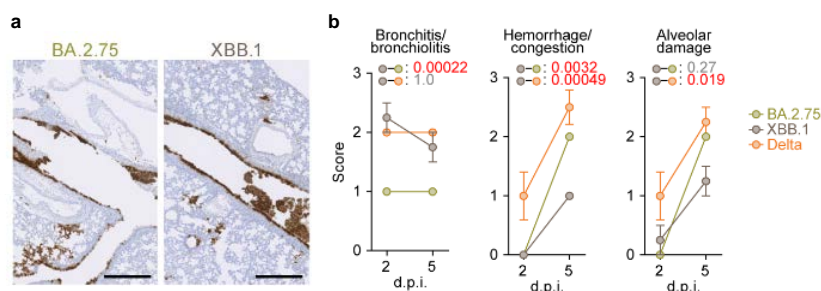


図 5 オミクロン XBB.1 株のハムスターモデルにおける増殖性と組織障害性

a) 感染後 2 日目のハムスター肺におけるウイルスの増殖。ウイルスが感染している細胞（N タンパク質陽性細胞）は、茶色に免疫染色されている。

b) ハムスター肺の組織病理学的障害スコア。値が高いほど組織障害の程度が強いことを示す。

本研究で解析したオミクロン XBB 株は、その後さらに多様化し、様々な子孫株を生み出すに至りました。特に、2023 年に入り、オミクロン XBB 株よりも高い実効再生産数を示すオミクロン XBB.1.5 株や XBB.1.16 株などが相次いで出現し、急速に流行を拡大しました。2023 年 4 月現在、このようなオミクロン XBB 株の子孫株が全世界における COVID-19 流行の主流株となっています。

G2P-Japan では、SARS-CoV-2 の進化・流行動態を司る原理の解明に関する研究、および、出現が続くさまざまな変異株について、ウイルス学的な特性の解析や、中和抗体や治療薬への感受性の評価、病原性についての研究に取り組んでいます。G2P-Japan コンソーシアムでは、今後も、SARS-CoV-2 の変異 (Genotype) の早期捕捉と、その変異がヒトの免疫やウイルスの病原性・複製に与える影響 (Phenotype) を明らかにするための研究を推進します。

## 発表者

東京大学医科学研究所 感染・免疫部門 システムウイルス学分野

佐藤 佳 (教授)  
伊東 潤平 (助教)  
瓜生 慧也 (大学院生)

北海道大学 大学院医学研究院

田中 伸哉 (教授)  
福原 崇介 (教授)  
田村 友和 (助教)  
小田 義崇 (助教)



北海道大学 大学院薬学研究院

前仲 勝実 (教授)

喜多 俊介 (助教)

安楽 佑樹 (大学院生)

北海道大学 人獣共通感染症国際共同研究所

松野 啓太 (准教授)

紀田 泉 (大学院生)

京都大学 医生物学研究所

橋口 隆生 (教授)

京都大学 iPS細胞研究所

高山 和雄 (講師)

熊本大学 ヒトレトロウイルス学共同研究センター

池田 輝政 (准教授)

Hesham Nasser (特任助教)

宮崎大学 農学部獣医学科

齊藤 暁 (准教授)

Maya Shofa (大学院生)

HiLung 株式会社

山本 祐樹 (代表取締役)

永元 哲治 (取締役)

## 論文情報

〈雑誌〉 Nature Communications

〈題名〉 Virological characteristics of the SARS-CoV-2 XBB variant derived from recombination of two Omicron subvariants

〈著者〉 田村友和#, 伊東潤平#, 瓜生慧也#, Jiri Zahradnik#, 紀田泉#, 安楽佑樹#, Hesham Nasser#, Maya Shofa#, 小田義崇#, Spyros Lytras#, 直亨則, 板倉友香里, 出口清香, 鈴木理滋, 王磊, MST Monira Begum, 喜多俊介, 矢島久乃, 佐々木慈英, 田畑香織, 清水凌, 津田真寿美, 小杉優介, 藤田滋, 潘琳, Daniel Sauter, 吉松組子, 鈴木紗織, 浅倉弘幸, 長島真美, 貞升健志, 吉村和久, 山本佑樹, 永元哲治, Gideon Schreiber, 前仲勝実, The Genotype to Phenotype Japan (G2P-Japan) Consortium, 橋口隆生, 池田輝政, 福原崇介, 齊藤暁, 田中伸哉\*, 松野啓太\*, 高山和雄\*, 佐藤佳\*

(#Equal contribution: \*Corresponding author)

〈DOI〉 10.1038/s41467-023-38435-3

〈URL〉 <https://www.nature.com/articles/s41467-023-38435-3>

## 研究助成

本研究は、佐藤佳教授らに対する日本医療研究開発機構（AMED）「新興・再興感染症に対する革新的医薬品等開発推進研究事業（JP22fk0108146, JP21fk0108494, JP21fk0108425, JP21fk0108432）」、AMED 先進的研究開発戦略センター（SCARDA）「ワクチン開発のための世界トップレベル研究開発拠点の形成事業（UTOPIA, JP223fa627001）」、AMED SCARDA「ワクチン・新規モダリティ研究開発事業（JP223fa727002）」、科学技術振興機構（JST）CREST（JPMJCR20H4）、および伊東潤平助教に対する科学技術振興機構 さきがけ（JPMJPR22R1）などの支援の下で実施されました。

## 用語解説

（注1）研究コンソーシアム「The Genotype to Phenotype Japan (G2P-Japan)」

東京大学医科学研究所 システムウイルス学分野の佐藤教授が主宰する研究コンソーシアム。日本国内の様々な専門性を持つ若手研究者が参画し、多角的アプローチからウイルスの性質の解明に取り組んでいる。現在では、イギリスを中心とした諸外国の研究チーム・コンソーシアムとの国際連携も進めている。

（注2）オミクロン株（B.1.1.529, BA系統）

新型コロナウイルスの流行拡大によって出現した、顕著な変異を有する「懸念すべき変異株（VOC: variant of concern）」のひとつ。オミクロンBA.1株、オミクロンBA.5株、オミクロンBQ.1.1株、オミクロンXBB株などが含まれる。現在、日本を含めた世界各国で大流行している変異株である。

（注3）スパイクタンパク質

新型コロナウイルスが細胞に感染する際に、新型コロナウイルスが細胞に結合するためのタンパク質。現在使用されているワクチンの標的となっている。

（注4）受容体結合部位（RBD）

上述のスパイクタンパク質のうち、細胞の受容体に結合する領域（Receptor Binding Domain）。

（注5）遺伝子組換え

複数のウイルスの間で、遺伝子の一部が組み換わること。新型コロナウイルスの場合、異なる系統のウイルスが宿主に同時感染することで生じると考えられる。

（注6）液性免疫

B細胞が主体となって、抗体を作ることで異物に対抗する免疫。

（注7）ACE2

Angiotensin-Converting Enzyme 2（アンジオテンシン変換酵素2）の略称で、新型コロナウイルスが細胞に感染する際に受容体として機能する。

(注8) 実効再生産数

特定の条件下において、1人のウイルス感染者が平均して何人の二次感染者を生み出せるかを表す尺度。本研究では変異株の流行拡大能力を比較する目的で使用している。

(注9) シュードウイルス

新型コロナウイルスのスパイクタンパク質を持たせたウイルス様粒子。細胞に一度感染できるが、増殖することはできない。

(注10) 中和試験

抗体や抗体を含む血清がウイルスを不活化(中和)する能力を定量するための実験。ウイルスを中和する能力のある抗体は中和抗体と呼ばれる。新型コロナウイルスの場合、中和抗体はスパイクタンパク質に結合することでスパイクタンパク質と感染受容体であるACE2との相互作用を抑制する場合が多い。

(注11) 合胞体形成活性

合胞体とは、新型コロナウイルスに感染した細胞が、スパイクタンパク質を細胞表面に発現し、周囲の細胞と融合することによって形成される大きな細胞塊のこと。合胞体形成活性とは、新型コロナウイルスのスパイクタンパク質を介して、合胞体を形成する能力のこと。

## 問合せ先

〈研究に関する問合せ〉

東京大学医科学研究所 感染・免疫部門 システムウイルス学分野  
教授 佐藤 佳(さとう けい)  
電話番号 : 03-6409-2212  
メールアドレス : keisato@g.ecc.u-tokyo.ac.jp

〈報道に関する問合せ〉

東京大学医科学研究所 国際学術連携室(広報)  
電話番号 : 090-9832-9760  
メールアドレス : koho@ims.u-tokyo.ac.jp

北海道大学 社会共創部広報課

電話番号 : 011-706-2610 FAX : 011-706-2092  
メールアドレス : jp-press@general.hokudai.ac.jp

京都大学 渉外部広報課国際広報室

電話番号 : 075-753-5729  
メールアドレス : comms@mail2.adm.kyoto-u.ac.jp

熊本大学 総務部総務課広報戦略室

電話番号 : 096-342-3269  
メールアドレス : sos-koho@jimui.kumamoto-u.ac.jp



宮崎大学 企画総務部総務広報課

電話番号 : 0985-58-7114

メールアドレス : kouhou@of.miyazaki-u.ac.jp

HiLung 株式会社 広報担当

電話番号 : 075-354-5095      FAX: 075-354-5425

メールアドレス : pr@hilung.com